

APPLICATION DE LA SELECTION ASSISTEE PAR MARQUEURS MOLECULAIRES DANS L'AMELIORATION GENETIQUE DE BLE TENDRE

Communication affichée

LANOUARI Sanâa^{1et 2}, EL HADDOURY Jamal¹, SRIPADA Udupa³, BENCHARKI Bouchaib², NASSER Boubker²

1 INRA, CRRRA-Settat. Laboratoire de Biotechnologie Végétale. Route tertiaire 1406 à 5 Km de Settat, B.P. 589 Settat Maroc.

2 Laboratoire agroalimentaire et santé, ER; Microbiologie et Virologie, Université Hassan 1^{er}, Faculté des sciences et Techniques, Km 3,5. Route de Casablanca. B.P 577. Settat - Maroc.

3 INRA, CRRRA-Settat, Unité de Recherche sur la biotechnologie. Avenue Mohamed Belarbi Alaoui, B.P : 6356 – Rabat Maroc.

Résumé :

La culture de blé tendre au Maroc, généralement dans les zones arides et semi-arides, est affectée par les faibles précipitations et leur irrégularité est combinée avec autres obstacles, citant : la sécheresse, les hautes et basses températures, le stress hydrique et le stress biotique résultant de l'action nuisible des insectes, des ravageurs ou des champignons.

Cependant, la sélection assistée par marqueurs moléculaires (SAMB) est un outil biotechnologique d'amélioration génétique du blé, qui peut apporter des solutions à ces contraintes. Il permet d'augmenter l'efficacité de la sélection et de réduire le temps et le coût. De ce fait, la recherche des marqueurs moléculaires (MM) aide le sélectionneur à mieux connaître la génétique des caractères importants afin d'optimiser l'efficacité des programmes de sélection.

Ce présent travail consistera l'application de la SAMB pour l'amélioration génétique du blé, afin d'obtenir des variétés productrices et de bonne qualité technologique. Des croisements sont réalisés entre les cultivars du blé à haut potentiel de rendement et des sources de résistance à la rouille, à la cécidomyie et des génotypes tolérants à la sécheresse. Les plantes F1 obtenues font l'objet des rétrocroisements pour réaliser l'introgession du gène d'intérêt.

Nous présentons dans cet article, une brève description des techniques moléculaires utilisés dans cette expérimentation pour analyser le matériel génomique des plantes F1 issus des croisements, par l'utilisation des méthodes d'extraction d'ADN, test qualité d'ADN extrait et PCR des échantillons d'ADN. L'analyse du matériel génomique de ces plantes montre la présence des gènes recherchés en utilisant des MM publiés.

Mots-clés : marqueur moléculaire, cécidomyie, rouille, sécheresse, SAMB.